

دانشگاه علوم پزشکی اصفهان

کاربرگ ترجمان دانش طرح‌های پژوهشی

شماره:
تاریخ:
پیوست:

عنوان طرح پژوهشی	بررسی ژن‌ها و مسیرهای مولکولی مشترک بین فیبروم رحم و شکست لانه‌گزینی بر اساس تجزیه و تحلیل‌های بیوانفورماتیکی نمونه‌های موجود در پایگاه‌های داده‌ای آنلاین
کد طرح	۲۴۰۳۲۱۷
نام و نام خانوادگی مجری طرح	محمد کاظمی
نام و نام خانوادگی همکاران طرح	مریم السادات حسینی، بصیره بهرامی، محمدرضا زارع
دانشکده/مرکز تحقیقاتی	پرستاری و مامایی / مرکز تحقیقات علوم باروری و سلامت جنسی

۱. مخاطبان طرح پژوهشی (لطفاً ضمن انتخاب افراد یا گروه‌هایی که بتوانند به طور مستقیم از نتایج طرح استفاده نمایند، به هر کدام از آنها وزن ۱ تا ۵ بدهید)

4 گیرندگان خدمات سلامت (مردم، بیماران، رسانه‌ها)

5 ارائه‌کنندگان خدمات سلامت (پزشکان، داروسازان، پرستاران، ماماها و ...)

3 مدیران و سیاست‌گزاران نظام سلامت (مدیران بیمارستان، دانشگاه، سازمان غذا و دارو، معاونت بهداشتی و ...)

2 سرمایه‌گذاران و بخش‌های تولیدی (کارخانجات دارویی، صنایع غذایی، تجهیزات پزشکی و ...)

1 سایر مخاطبین (مثلاً سازمان‌های مردم‌نهاد، خیرین، بهزیستی، آموزش و پرورش، مدیران خارج از نظام سلامت)

۲. آیا این خبر می‌تواند از نظر اجتماعی، سیاسی و قوانین سازمان غذا و دارو، تبعاتی داشته‌باشد؟

بله ☐ خیر ☒ نمی‌دانم ☐

۳. استخراج و نگارش پیام پژوهشی

الف. عنوان پیام یا خبر (حداکثر ۱۵ کلمه)

نشانگرهای زیستی احتمالاً می‌توانند نرخ لانه‌گزینی را در افراد مبتلا به فیبروم رحم پیشبینی کنند.

شماره:
تاریخ:
پیوست:

ب. مقدمه و اهمیت موضوع (حداکثر ۴۰ کلمه)

ناباروری یکی از معضلات فعلی کشور است که علی‌رغم وجود تکنیک‌های کمک‌باروری می‌تواند با شکست در لانه‌گزینی همراه باشد. یکی از عوامل مداخله‌گر، فیبروم‌های رحم هستند. با شناسایی عوامل ژنتیکی درگیر در ایجاد فیبروم می‌توان به افزایش نرخ باروری کمک کرد.

ج. یافته‌ها و پیام‌های اصلی پژوهش را به بدون استفاده از واژگان تخصصی و به زبان ساده بنویسید:

توجه: طرح ممکن است یک یا بیش از یک پیام داشته باشد. مسئولیت صحت پیام‌ها بر عهده مجری طرح می‌باشد.

پیام شماره ۱: (حداکثر ۵۰ کلمه)

این مطالعه با بررسی داده‌های ژنتیکی مربوط به فیبروم و شکست در لانه‌گزینی، به شناسایی ژن‌ها و مسیرهای مولکولی مشترک در این بیماری‌ها پرداخت تا با مطالعات بیشتر در این زمینه، بتوان زیست‌نشانگرهای بالقوه‌ای جهت غربالگری، تشخیص و درمان بیماران معرفی کرد و نرخ باروری را افزایش داد.

پیام شماره ۲: (حداکثر ۵۰ کلمه)

اگرچه ارتباط معکوس بین فیبروم‌های رحم و موفقیت در لانه‌گزینی آشکار است ولی این مطالعه و سایر مطالعات بنیادین کمک می‌کنند تا علاوه بر روش‌های درمانی مرسوم از جمله میومکتومی، با شناسایی ژن‌ها و مسیرهای مولکولی مرتبط، با تکیه بر رویکردهای پزشکی فردمحور بتوان درمان هدفمندتری برای هر بیمار ارائه کرد.

د. پیشنهاد برای کاربرد نتایج (حداکثر ۴۰ کلمه)

نتایج حاصل از این مطالعه علاوه بر درک اساس و عوامل زمینه‌ساز ناباروری، می‌تواند به شناسایی زیست‌نشانگرهای تشخیصی/پیش‌آگهی‌دهنده کمک کند.

د. کدامیک از روش‌های انتقال پیام را پیشنهاد می‌کنید؟ (می‌توانید بیش از یک مورد را انتخاب کنید)

- ☐ تشکیل جلسه با گروه مخاطب، ذی‌نفعان و استفاده‌کنندگان بالقوه برای معرفی نتایج پژوهش
- ☒ انتشار مقاله در مجلات علمی – پژوهشی داخلی
- ☒ انتشار مقاله در مجلات علمی – پژوهشی خارجی
- ☐ انتشار نتایج پژوهش در روزنامه‌ها و مجلات کثیرالانتشار
- ☐ انتشار نتایج در خبرنامه‌ها و بولتن‌های درون‌سازمانی



معاونت پژوهشی و فناوری

شماره:
تاریخ:
پیوست:

- ☒ ارائه در کنفرانس‌ها و سمینارهای داخلی
- ☒ ارائه در کنفرانس‌ها و سمینارهای خارجی
- ☐ ارائه یافته‌های پژوهش به خبرنگاران و شرکت در مصاحبه‌ها
- ☐ ارسال خلاصه یا گزارش کامل برای گروه‌های هدف
- ☐ قرار دادن خلاصه یا گزارش کامل طرح بر روی وبسایت برای دسترسی استفاده‌کنندگان بالقوه
- ☐ تهیه راهنما، بروشور، کتابچه، و غیره به زبان ساده و متناسب با مخاطبین
- ☐ انجام اقدامات لازم برای تجاری‌سازی نتایج پژوهش (ثبت اختراع، عقد قرارداد با صنعت و غیره)
- ☐ سایر موارد (لطفاً نام ببرید)

۴. چکیده طرح تحقیقاتی:

مقدمه: ناباروری یک چالش جهانی است. بسیاری از زوجها از تکنیک‌های کمک باروری بهره‌مند می‌شوند، اما ممکن است با شکست مکرر لانه‌گزینی مواجه شوند که می‌تواند ناشی از فیبروم باشد.

روش پژوهش: در این مطالعه سه مجموعه داده تحلیل شد. ژن‌های با تمایز بیان و متیلاسیون در فیبروم و شکست لانه‌گزینی استخراج شدند. سپس اشتراک این‌ها با ژن‌های کلیدی شناسایی شده با تحلیل شبکه هم‌بیانی مشخص شد.

یافته‌ها: این تحلیل ۹۰۴ ژن متمایز در نمونه‌های شکست لانه‌گزینی و ۳۱۰ ژن متمایز در نمونه‌های فیبروم شناسایی کرد. همچنین ۱۴۵ ژن کلیدی مرتبط با فیبروم و ۱۳۵۰ ژن کلیدی مرتبط با شکست لانه‌گزینی شناسایی شد. با بررسی همپوشانی بین این ژن‌ها، سه ژن مشترک شناسایی شدند.

نتیجه‌گیری: این مطالعه ژن‌ها و مسیرهای مشترک در فیبروم و شکست لانه‌گزینی را آشکار می‌کند. هدف قرار دادن این ژن‌ها، راه‌های درمانی جدیدی را پیشنهاد می‌کند. بنابراین تحقیقات بیشتر برای اعتبارسنجی و به کارگیری این‌ها ضروری است.

کلیدواژه‌ها: بیان ژن، شکست مکرر در لانه‌گزینی، فیبروم رحم، متیلاسیون، ناباروری

۵. عنوان(ها) و آدرس اینترنتی مقاله (های) مستخرج از طرح:

الف. مقاله فارسی:

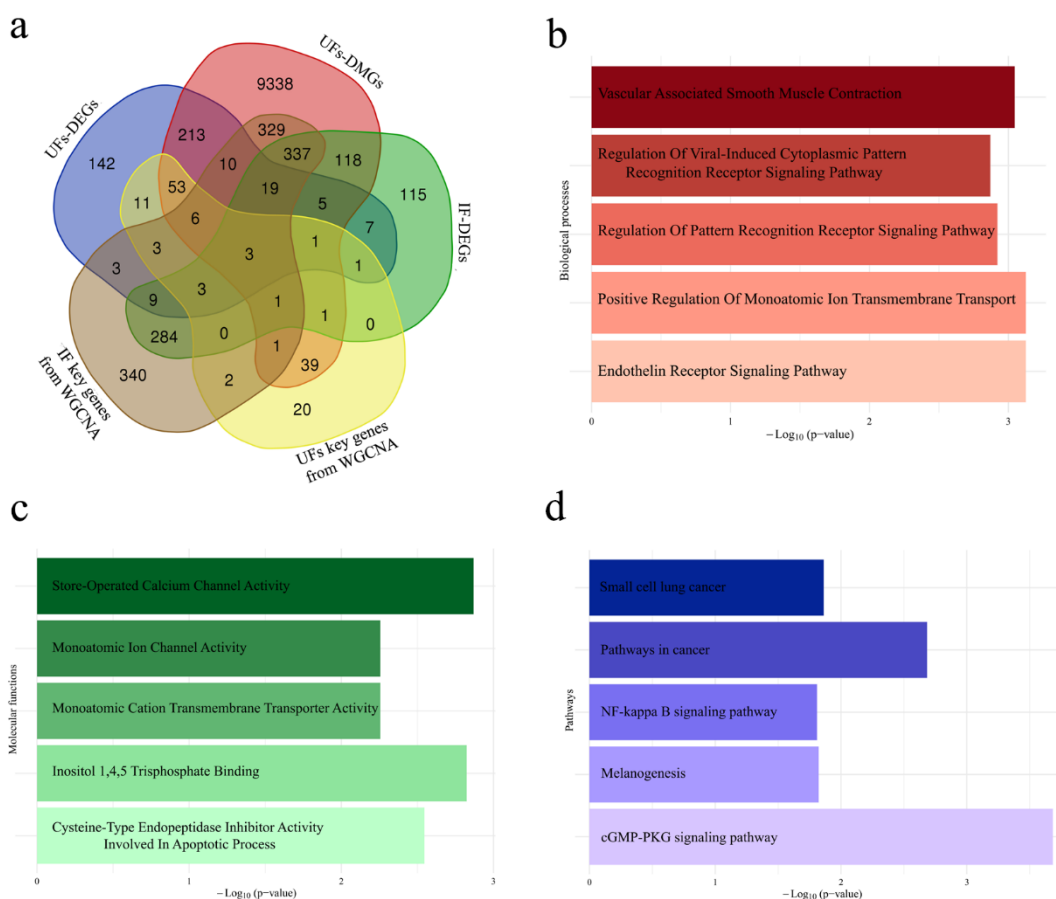
عنوان:
http://.....

ب. عنوان مقاله انگلیسی:

Title: Identifying shared molecular landscape between uterine fibroids and recurrent implantation failure: An integrated bioinformatics study.
<https://doi.org/10.1016/j.heliyon.2025.e43006>

شماره:
 تاریخ:
 پیوست:

۶. تصاویر حاصل از نتایج انجام طرح تحقیقاتی (Max: 200 Kb | JPG,PNG,GIF)



شکل یک. شناسایی ژن‌ها و مسیرهای مولکولی مشترک بین فیبروم رحم و شکست در لانه‌گزینی. نتایج تحلیل‌های انجام گرفته در مطالعه پیش‌رو نشان می‌دهد سه ژن *EDNRB*، *BIRC3* و *TRPC6* بین نمونه‌های فیبروم رحم و شکست در لانه‌گزینی تمایز بیان و متیلاسیون دارند (a). همانطور که در شکل‌های b، c، و d نشان داده است، این ژن‌ها در فرآیندها و مسیرهای مولکولی مهمی دخیل هستند که می‌تواند با عملکرد رحم و پذیرش جنین مرتبط باشد. از جمله این فرآیندها می‌توان به انقباض عضلات صاف مرتبط با عروق، کنترل انتقال یون، آپوپتوز، و مسیرهای انتقال پیام اشاره کرد.

شماره:

تاریخ:

به است:

نام و امضاء مجری طرح پژوهشی

دکتر محمد کاظمی

